Module OM COMPOST

F. Lafolie

Sommaire

L	Hypothèses	1
2	Equations	2
3	Résolution	2
4	Entrées	4
5	Sorties	4
3	Paramètres du Module	5

1 Hypothèses

On décrit la résolution qui est mise en oeuvre dans la plate-forme VSOIL pour les équations décrivant le compostage de résidus organiques. Le modèle est décrit dans l'article : Zhang et al. 2012. Modelling of organic matter dynamics during the composting process. Waste Management, 32(1): 19-30. Les équations sont prises dans l'article et répétées ici pour faciliter la lecture. Le modèle considère que les résidus organiques sont répartis dans cinq compartiments: un compartiment soluble à décomposition lente (C_1) , un compartiment soluble à décomposition rapide (C_2) , un compartiment hémicellulose (C_3) , un compartiment cellulose (C_4) et un compartiment lignine (C_5) . La décomposition de ces cinq compartiments se fait selon une loi du premier ordre et alimente un compartiment dit "soluble" (C_s) sur lequel se nourrit une biomasse microbienne ou fongique (C_b) . La biomasse morte devient en partie de la matière humifiée (C_{hum}) et le reste se partage entre le pool soluble et le pool dit soluble lent (C_1) . La décomposition du pool soluble par la biomasse microbienne produit du CO_2 . La croissance de la biomasse obéit à une loi de Monod.

Le module accepte en entrée des apports de compost au cours du temps. Le compost apporté doit donc être caractérisé au moyen des pools décrits cidessus.

2 Equations

Les équations sont donc les suivantes.

Pour le premier compartiment (soluble lent) on a la décomposition du premier ordre et l'alimentation en provenance de la biomasse morte qui donnent .

$$\frac{dC_1(t)}{dt} = -K_1C_1(t,z) + m(1 - Y_{cs})\omega C_b(t)$$
 (1)

avec $m(s^{-1})$ la constante de temps pour la mortalité de la biomasse, ω la fraction de la biomasse morte qui rejoint les pools solubles (le reste est humifié) et Y_{cs} un paramètre pour la partager entre le pool soluble C_s et le pool C_1 .

Pour les compartiments i = 2, 3, 4, 5 on a des lois du premier ordre.

$$\frac{dC_i(t)}{dt} = -K_i C_i(t, z) \tag{2}$$

Pour le compartiment soluble, l'équation s'écrit :

$$\frac{dC_s(t)}{dt} = \sum_{i=1}^{5} K_i C_i - \frac{\mu(C_s(t))C_b}{Y} + mY_{cs}\omega C_b(t)$$
 (3)

La somme correspond à l'alimentation du pool à partir des cinq premiers, le second terme correspond à la perte due à la croissance du compartiment microbien, le troisième correspond à une alimentation en provenance de la biomasse morte. Y est le rendement d'assimilation du carbone par la biomasse microbiennne. $\mu(C_s)$ est la fonction de Monod qui pilote la croissance de la biomasse en fonction de la disponibilité du substrat C_s . La fonction est la suivante :

$$\mu(C_s(t)) = \mu_{max} \frac{C_s(t)}{C_s(t) + K_s} f(T)g(\psi)$$
(4)

avec $\mu_{max}(s^{-1})$ la croisance specifique maximum, $K_s(kg/kg)$ la constante de demi-saturation, et f(T) et $g(\psi)$ des fonctions pour tenir compte de l'effet de la température et du potentiel de l'eau.

Pour la dynamique microbienne, on a l'équation :

$$\frac{dC_b(t)}{dt} = \mu(C_s(t))C_b(t) - mC_b(t)$$
(5)

L'équation pour le pool de matière humifiée est simplement

$$\frac{dC_{hum}(t)}{dt} = (1 - \omega)mC_b(t) \tag{6}$$

La production de CO_2 est: $(1-Y)\frac{\mu C_b}{Y}$

3 Résolution

Les équations sont en partie couplées et non linéaire pour celle décrivant l'évolution de C_s .

On peut les résoudre en linéarisant, ce qui traite en même temps les problèmes de couplage et de non-linéarité. Dans ce cas on résoud les cinq premières

équations par une méthode de Cranck-Nicholson, la variable C_b dans la première équation est prise au temps précédent. Puis on résoud celle pour C_s en calculant la fonction μ avec C_s prise au pas de temps précédent et de même pour C_b qui apparaît dans cette équation. On peut alors résoudre l'équation pour C_b avec la fonction μ calculée comme précédemment. L'évaluation du compartiment humifié et des émissions de CO_2 ne pose pas de problème.

La méthode mise en oeuvre dans VSOIL est une méthode itérative qui permet de traiter en même temps les couplages et les non-linéarités. Elle consiste à résoudre les équations en utilisant comme première estimation de la solution, les valeurs calculées au pas de temps précédent. Les équations pour les pools 1 à 5 sont résolues en premier. Cela permet d'avoir une première estimation de ces pools. L'équation pour le pool soluble (eq. 3) est alors traitée, ce qui permet d'avoir une estimation $\widehat{C_s}$. Ensuite on obtient une estimation de la biomasse $\widehat{C_b}$ en résolvant l'équation 5. Un schèma de Cranck-Nicholson est utilisé chaque fois qu'on a une équation du premier ordre. Ensuite on obtient la quantité humifiée et les flux de CO2. Ce processus est répété jusqu'à ce que les variations relatives des estimations successives des différents pools soient plus petites qu'une valeur donnée. Le processus converge très rapidement ; 1 à 2 itérations sont suffisantes. La méthode itérative devient équivalente à la méthode utilisant la linéarisation si le critère de convergence n'est pas contraignant. Les équations sont décrites ci-dessous. L'algorithme a été vérifié par rapport à une solution obtenue avec MathLab.

Equation pour le pool soluble lent

L'estimation au temps t+dt est obtenue par un schèma de Cranck-Nicholson.

$$\widehat{C}_1(t+dt) = \frac{1 - K_1 dt/2}{1 + K_1 dt/2} C_1(t) + m(1 - Y_{cs}) \omega C_b(t) \frac{dt}{1 + K_1 dt/2}$$
(7)

Equation pour les pools : soluble rapide, hemi-cellulose, cellulose et lignine

Les solutions au temps t+dt sont obtenues avec des schèmas de Cranck-Nicholson. Il s'agit bien de solutions et non d'estimations car pour ces pools il n'y a pas de couplage ni de non-linéarité.

$$C_i(t+dt) = \frac{1 - K_i dt/2}{1 + K_i dt/2} C_i(t)$$
(8)

où i désigne l'indice du pool et k_i la constante de temps associée.

Equation pour le pool soluble

Dans ce cas, l'équation ne faisant pas apparaı̂tre l'inconnue au second membre, la solution est simplement :

$$C_s(t+dt) = C_s(t) + dt \left(\sum_{i=1}^{5} K_i C_i(t+dt) + m Y_{cs} \omega \widehat{C_b} \right) - dt \frac{\mu(\widehat{C_s})}{Y} \widehat{C_b}$$
 (9)

où \widehat{C}_b désigne l'estimation courante du pool biomasse. A la première itération c'est la valeur au temps t. La fonction $\mu(\widehat{C}_s)$ est calculée selon l'équation 4 avec \widehat{C}_s qui désigne l'estimation courante de C_s . Lors de la première itération c'est la valeur au pas de temps précédent qui est utilisée.

Equation pour le pool biomasse

On obtient la solution avec un schèma de Cranck-Nicholson.

$$C_s(t+dt) = C_s(t) \frac{1 - k_b dt/2}{1 + k_b dt/2}$$
(10)

avec $k_b = m - \mu(\widehat{C_s})$

Critère d'arrêt des itérations

On calcule le max sur tous les pools de la variation relative de deux estimations successives. Si cette variation est inférieure à une seuil on a convergence. Si on note j l'indice d'itération, cela se traduit par :

$$Max_{i=1,7} \frac{\|C_i^{j+1} - C_i^j\|}{\|C_i^{j+1}\|} \le \epsilon$$
 (11)

Les paramètres K_i sont corrigés pour tenir compte de l'effet de la température et du potentiel de l'eau. On utilise les fonctions de VanHoff et d'Andren.

Les paramètre K_i correspondant à la cellulose et à l'hemi-cellulose sont en plus corrigés pour tenir compte de la proportion de lignine. Le paramètre corrigé est donné par : $K_i = K_i * exp(-3.2 f_{lig})$ où f_{lig} est la fraction de lignine (masse de lignine rapportée à la masse totale des pools slow, fast, cellulose, hemicellulose et lignine).

On n'a pas mis de contrainte sur le pas de temps dans le codage du module. Les tests faits avec divers pas de temps allant de 60 secondes à 1 heure ne montrent pas de différences significatives. Les résultats sont en parfait accord avec la solution MathLab.

4 Entrées

Les entrées du module sont les suivantes :

- soil bulk density Masse volumique du sol $[kg.m^{-3}]$
- soil water matrix potential Potentiel matriciel de l'eau du sol [m]
- \bullet soil temperature Température du sol [K]
- soil organic fertilizer pools incorporation depth Profondeur d'incorporation des apports éventuels [m]
- soil organic fertilizer pools surfacic mass Quantité de compost appliquée. Il s'agit de la masse de chaque pool composant le compost. La somme doit correspondre à la masse de compost appliquée. Voir la définition des pools ci-dessus. $[kgMS.m^{-2}]$
- soil organic fertilizer pools carbon mass ratio Fraction de carbone pour chaque pool composant le compost appliqué. $[kgC.kg^{-1}MS]$

5 Sorties

Le module produit les variables suivantes. Elles sont toutes des fonctions du temps. Donc le module les calcule à chaque fois qu'il est appelé (cf. pas de temps dt). Elles sont soit définies en tous les points du profil soit sans localisation spatiale. Toutes les informations (localisation, type, description, unité) sont disponibles dans l'application VSoil Modules.

- soil organic matter pool mass ratio Fraction massique des pools composant le compost. $[kgC.kg^{-1}sol]$ Une valeur initiale doit être fournie pour cette variable
- soil organic matter pool decomposition rate Vitesse de décomposition des pools composant le compost. $[kgC.kg^{-1}sol.s^{-1}]$
- soil organic matter pool mass ratio profile integrated Pools composant le compost intégrés sur le profil de sol $[kgC.m^{-2}]$
- organic matter gas production rate Production de CO_2 en chaque point du profil de sol. $[mol.m^{-3}.s^{-1}]$
- organic matter gas production rate profile integrated Production de CO_2 pour tout le profil de sol. $[mol.m^{-2}.s^{-1}]$
- organic matter gas production rate profile time integrated Production de CO_2 pour tout le profil de sol cumulée dans le temps. $[mol.m^{-2}]$

6 Paramètres du Module

- **k1**, $[s^{-1}]$, Hydrolysis constant of C i=1 (SND-slow)
- $\mathbf{k2}$, $[s^{-1}]$, Hydrolysis constant of C i=2 (SND-fast)
- $\mathbf{k3}$, $[s^{-1}]$, Hydrolysis constant of C i=3 (Hcel)
- $\mathbf{k4}$, $[s^{-1}]$, Hydrolysis constant of C i=4 (CEL)
- **k5**, $[s^{-1}]$, Hydrolysis constant of C i=5 (LIG)
- \mathbf{Y} , $[s^{-1}]$ Assimilation yield of organic C available to microbial biomass.
- Mumax, $[s^{-1}]$, Maximum specific growth rate for microbial biomass.
- Ks, $[kg.kg^{-1}]$, Saturation constant for Monod kinetic.
- **mB**, $[s^{-1}]$, Death constant for microbial biomass.
- Ycs, [NA], Parameter to split dead biomass between pools C1 and Cs. The fraction Y_{cs} goes to pool Cs.
- wbio, [NA], Fraction of dead biomass into biodegradation pools. The remaining goes to humified organic matter pool. This the ω parameter in equation 3.
- **tempref**, [K], Reference temperature for Van Hoff model.
- qvanthoff, [NA], Parameters for the vanHoff model.
- **pot_opt**, [m], Optimum potential for Andren model.
- pot_min, [m], Minimum potential in Andren model.
- **epsi**, [NA], Convergence criteria for resolution of the coupled non linear differential equations.
- maxiter, [NA], Maximum number of iterations allowed for the resolution of the coupled equation within a time increment.